

BON DE DEMANDE D'ANALYSES DE BIOLOGIE MOLECULAIRE DES TUMEURS SOLIDES

Cette demande doit impérativement être accompagnée d'un prélèvement conforme au manuel de prélèvement et de la copie du compte-rendu anapath correspondant

Date de la demande :

Identification du patient :

Nom : Prénom :
Nom de naissance (obligatoire) : Date de naissance : Sexe : H F

Identification du prélèvement :

N° du prélèvement transmis : Date du prélèvement :
Type histologique et état tumoral (primitif, métastase, origine) :

Type de prélèvement : pièce opératoire biopsie sang → préciser heure de prélèvement :
 liquide biologique (précisez)

Fixateur utilisé : formol autre fixateur (précisez)..... tissu congelé

Contexte clinique: diagnostic initial
 en progression clinique → préciser traitement en cours :
 autres:.....

Médecin prescripteur : **N° RPPS (mention obligatoire) :**

Etablissement de santé de rattachement (renseignement obligatoire, à défaut l'ensemble des examens sera facturé à l'envoyeur)¹:
..... **N° FINESS (mention obligatoire) :**

Adresse :

Tel : Fax :

Le prescripteur est tenu d'informer le patient que les analyses de génétique tumorale peuvent mener à la découverte fortuite de variants de prédisposition au cancer.

Pathologiste ayant établi le diagnostic:

Adresse :

Tel : Fax :

Autre destinataire du compte rendu:

Adresse :

Tel : Fax :

IMPORTANT : Conformément à l'instruction DGOS/PF4/DSS/1A/2018/101 du 16 avril 2018, les analyses selon la nomenclature RIHN sont facturées à l'établissement de santé du prescripteur et ne peuvent être en aucun cas facturées au patient assuré social.

La demande d'examen fait foi de bon de commande et vaut engagement de l'établissement de santé du prescripteur à honorer la facture émise par l'établissement exécutant l'analyse.

Cachet et signature du prescripteur portant mention de l'établissement de santé de rattachement (obligatoire)

- **BIOPSIE LIQUIDE:** préciser localisation primitive et indication:
Recherche de **variants** ALK, BRAF, EGFR, ERBB2, ESR1, FGFR1/2/3/4, IDH1/2, KRAS, NRAS, PIK3CA, PDGFRA TP53 et **fusions** ALK, EGFR, FGFR1/2/3, NTRK1, RET, ROS1, MET exon skipping (NGS DNaseq 32 gènes^{2,3}) – RIHN N453.

• **CANCERS BRONCHIQUES NON-A-PETITES CELLULES (CBNPC)**

Tabac : non ou ≤ 10 PA >10 PA

Biomarqueurs selon les recommandations CBNPC métastatiques ESMO 2023 (variants et fusions - NGS RNASeq 14 gènes^{2,3} et NGS DNaseq 54 gènes^{2,3} – ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N452 x2; ou NGS DNaseq 32 gènes^{2,3} - RIHN N453).

Recherche de fusions ALK, ROS1, RET, NTRK, NRG1, MET exon skipping (NGS RNASeq 14 gènes^{2,3}) - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N452.

Recherche de variants EGFR, KRAS, BRAF, ERBB2, MET et variants de résistance aux anti-EGFR (T790M et C797S) et anti-ALK (NGS DNaseq 54 gènes^{2,3}) - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N452.

Recherche rapide ciblée EGFR⁴ - Biomarqueurs recommandations traitement adjuvant CBNPC ESMO 2021 (n'inclut pas la recherche de mutation de résistance EGFR C797S) - ZZQX129 + NABM 4510 - analyse sur tissu fixé uniquement - le laboratoire se réserve le droit de modifier la demande en NGS DNaseq ou RNASeq (N452) si l'échantillon transmis ne remplit pas les critères pré-analytiques nécessaires (minimum 10% de cellules tumorales et quantité de tissu suffisante)

Recherche rapide ciblée KRAS G12C⁴ – ZZQX129 + RIHN N524 - analyse sur tissu fixé uniquement.

• **CANCERS COLORECTAUX**

Biomarqueurs selon les recommandations ESMO 2023 (variants, fusions et statut MSI - NGS RNASeq 14 gènes^{2,3} et NGS DNaseq 54 gènes MSI^{2,3} - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N452 x2 + N500; ou NGS DNaseq 32 gènes^{2,3} - RIHN N453).

Recherche de variants KRAS, NRAS, BRAF, ERBB2 et statut MSI (NGS DNaseq 54 gènes MSI^{2,3}) - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N452 + N500.

Recherche d'instabilités microsatellites (MSI) et Méthylation du promoteur de MLH1³ - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N500 + N533.

Recherche rapide ciblée KRAS, NRAS et BRAF V600⁴ - ZZQX129 + NABM 4511 + 4512.

• **CANCERS OVAIRE**

Biomarqueurs ovaire selon les recommandations ESMO 2020 et St Paul-de-Vence 2023 (NGS DNaseq HRD2,6 incluant BRCA1, BRCA2, autres gènes HRR et recherche d'instabilité génomique/statut HRD) - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N454 + NABM 4513.

RAPPEL : Identification du patient :

Nom : Prénom :
Nom de naissance (obligatoire) : Date de naissance :

- **MELANOMES**
Biomarqueurs mélanomes métastatiques selon les recommandations INCa 2023 (variants BRAF, NRAS et KIT - NGS DNaseq 54 gènes^{2,3} - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N452 ; ou NGS DNaseq 32 gènes^{2,3} - RIHN N453).
Recherche de mutations NRAS et BRAF V600⁴ - ZZQX129 + NABM 4512
- **CANCERS SEIN**
Recherche de variants AKT1, PIK3CA, ESR1, ERBB2, BRCA1 et BRCA2 (NGS DNaseq 54 gènes^{2,3}) - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N452
- **CANCERS PANCREAS**
Recherche de variants BRCA1 et BRCA2, de fusions NTRK et d'instabilités microsatellites (NGS RNASeq 14 gènes^{2,3} + NGS DNaseq 54 gènes MSI^{2,3} - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N452 x2 + N500)
- **CANCERS PROSTATE**
Recherche de variants BRCA1 et BRCA2 (NGS DNaseq 54 gènes^{2,3}) - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N452
- **GIST**
Recherche de variants KIT et PDGFRA (NGS DNaseq 54 gènes^{2,3} - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N452 ; ou NGS DNaseq 32 gènes^{2,3} - RIHN N453).
- **CANCERS ENDOMETRE**
Biomarqueurs selon les recommandations ESGO 2023 (MSI, POLE, TP53)⁶ - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N452 + N500.
Recherche d'hyperméthylation du promoteur du gène MLH1 - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N533.
- **SARCOMES**
Recherche de fusions Sarcome (NGS RNASeq 55 gènes^{2,3}) - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N453.
- **LYMPHOMES**
Réarrangements Lymphocytes B³ - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N400.
Réarrangements Lymphocytes T³ - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N404.
- **CANCERS THYROÏDE**
Recherche rapide ciblée BRAF V600⁴ - ZZQX129 + RIHN N501.
Recherche rapide ciblée KRAS et NRAS⁴ - ZZQX129 + RIHN N523.
Recherche de variants KRAS, NRAS et BRAF (NGS DNaseq 54 gènes^{2,3}) - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N452
Recherche de fusions RET (NGS RNASeq 14 gènes^{2,3} - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N452; ou NGS DNaseq 32 gènes^{2,3} - RIHN N453)
- **CANCERS DES VOIES BILIAIRES**
Recherche de variants IDH1/2, de variants et fusions FGFR1/2/3, et d'instabilités microsatellites (NGS RNASeq 14 gènes^{2,3} + NGS DNaseq 54 gènes MSI^{2,3} - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N452 x2 + N500; ou NGS DNaseq 32 gènes^{2,3} - RIHN N453 + N500).
- **CANCERS UROTHELIAUX**
Recherche de variants et fusions FGFR1/2/3 (NGS RNASeq 14 gènes^{2,3} + NGS DNaseq 54 gènes^{2,3}) - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N452 x2
- **TUMEURS CEREBRALES**
Méthylation du promoteur MGMT³ - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N532.
Analyse CGH&SNParray⁶ - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN B034.
Recherche de variants BRAF, IDH1, IDH2, H3F3A, CTNNB1, TERT, EGFR et TP53 (NGS DNaseq 54 gènes^{2,3} - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N452; ou NGS DNaseq 32 gènes^{2,3} - RIHN N453).
Recherche d'instabilités microsatellites (MSI)³ - ZZQX129/ZZQX201 + RIHN N500.
- **AUTRES (PRECISER L'INDICATION)**

¹ A défaut d'identification de l'établissement demandeur à facturer (ou si des actes hors nomenclatures sont réalisés), le laboratoire de Biologie Moléculaire des Tumeurs facturera à l'envoyeur l'ensemble des examens réalisés, conformément aux dispositions réglementaires applicables. L'envoyeur est donc responsable de la qualité et de l'exhaustivité des informations saisies et transmises, seules à même de garantir la facturation des analyses réalisées.

² Pour le détail des gènes et exons couverts par les panels NGS, merci de vous référer au manuel de prélèvement dans le cadre des analyses de biologie moléculaire en pathologie tumorale, disponible sur <https://www.icl-lorraine.fr/je-suis-un-professionnel/biopathologie-demande-dexamens/>.

³ Le résultat de l'analyse sera communiqué dans un délai de 15 jours suivant la réception du prélèvement. Le bloc sera restitué dès l'analyse terminée.

⁴ Recherche uniquement des variants hotspots du(des) gène(s) étudié(s). Le résultat de l'analyse sera communiqué dans un délai de 7 jours suivant la réception du prélèvement. Le bloc sera restitué dès l'analyse terminée.

⁵ Si une consultation d'oncogénétique n'est pas encore réalisée ou prévue, celle-ci est à envisager dans les plus brefs délais.

⁶ Le résultat de l'analyse sera communiqué dans un délai de 3 semaines suivant la réception du prélèvement. Le bloc sera restitué dès l'analyse terminée.

Cotations: ZZQX129 (36,89€), ZZQX201 (39,73€), B034 (550€), N400 (207,90€), N404 (207,90€), N452 (882,90€), N453 (1503,90 €), N454 (2205,90€), N500 (162 €), N501 (116,10€), N523 (440,10€), N530 (110,70€), N532 (137,70€), N536 (110,70€), NABM 4510 (950B), NABM 4511 (1475B), NABM 4512 (813B), NABM 4513 (8120B)..